

REPLACEMENT FIGURE 15

FIGURE 15.

Promoter 6 :

(SEQ ID NO: 25)

GATCTCTCCCGAAGAAG

CTAAACGAGTAAAGTTTAGCACGATTGAGACCACACTGACCCATAGCAGTCCAATGAGC
TACGGAAGGCCCTAGGGCTTGAGGCTTGATGAGCGCGTGGTGGAATAGCGTTTGAATCTA
AAGTTCGTTTGGTACGACTTGTAATATGAAATAATAATGTACAAAGAAGTTCTACGCT
TAAGGGAAGTGTGTTTGGTGTGAGCTTTGTATTAGGACGTCTAGTGTACAACAACGAACG
TCGTGTATAAGCGATCGTTGACTCTGCACATGTAACCTTTTCCTGAATAAAAAATCTTT
AAGTCTTTAATTTCTACATCTTTTAGGATTATATAAACGTTACTATATAAATAAAAAAG
AAAAAAAATCAGTTCACATAACATGCGAGACTTTGGGCTAAATATAGTGATTCCAAAGA
AAATGAGTTATAATATTAATTAATAAAGCTCATTCTTTGGAATATCGTTATAAGA
ATATTTTAACTTGGATATAACTGGGCTTACGCCATTGTCATCTCGAGGATTTTTTGT
TTGTTTTTGTGTTTTTAAATACATTCTCGCACTTACACACTAAAAATCATAATGATCTTC
TTAATTCCTTAGCGGAACCACCAATTAATCTTTTTATTAAGAACTTTATTACTTATTT
ACTTATTTGTGCATACGTGCATTATTTTGGCAGTAACAAATATCGCGTTATATATACTG
AAATCCGGACGCATTAATAATAGGGATATGATTATATGAACCACTATCTAGCTTTGGTA
GAAACCAATTATAATCAAATAATTTACCATTATTGAATAAATTAGGCTATATAAGTTC
ATTAATAGATGCTATAGGTTTTTCTTACAAGGCACACATTTGATTGTTATTTTCTTTCA
TATACACTGAATGTACATGTGTACACTTGGCATACATGGCAAGATTATGTGTTACAATA
TAGACTGTGCCATTGCCATGCAATGTGACTCCTGTGGCCATTTCTATCACAATGTGTCA
ATCTTGGAGTATCCGTTGTTTATCCTCTAATTTACTGATTAATTTATGAACATGTATAA
TTATTTATATCATATGATCTCGTAAGATATCTTAGCATTTTCCACCATATGTTATTAGT
AAATCATCTAGATGGATTGATGTAAATAGGAAAGTTAAATTAACACACCAAAAAAGTAA
CTGATTAAAAGCATACAACTTAATATTCAGATTATGGTAACTAAATCAGTCTCATGCAA
ACTCCAAAAAATTATACGAGTCACAACCTCTTGATTTTTTTCCGGTTAAACAAAATACAT
ATTTTCATTTGTATGCAACCAGAATAAAACACTAACTATCTCCTTTAAATACCATTTTC
CCTACGAGTCTACGACGCTCTCTAACTTCTTATACAAAACAAAACACACCC

AAATATG

(SEQ ID NO: 26)

Query: 1 ATTCCAAAGAAAATGAGTTATAATATTAATTAATATAA-AGCTCATTCTTTGGAAT 57
|||||
Sbjct: 57 ATTCCAAAGAAAATGAGCTTTA-TATTAATTAATATTATAAAGTCACTTTCTTTGGAAT 1

BEST AVAILABLE COPY

FIGURE 16

(SEQ ID NO: 27)

TCGCCACC**ATG**TTTGAGTACCGGTGCAGCTC

(SEQ ID NO: 28)

Query: 1 AATGGGTCGGGTCGACCCGACCGATT 26

Sbjct: 26 AATCGGTCGGGTCGACCCGACCCATT 1

BEST AVAILABLE COPY

REPLACEMENT FIGURE 17

FIGURE 17

Promoter 16 :

(SEQ ID NO: 29)

AGGGACTAGGAACCTTAAGAAAAACAAAGTCATCAAAAAACAAAAAAAAGTT

GTGAGAAAATTCATGAGCACTCTTAGAAATGTAAATAGTTTGATTTGAAGAAATGTGGT
TTTTAAGAAGATAATTGCAAACTCAGAAAGGATTTCAAAAAACAATTCGTCAAATC
TTTCCTGAATTTTCGTAAAAATCCTTTCTAAATTTTAGAAAATTATTATTTCGAATGATTTT
ACGAAATTTTCGGAAAGAATCTATAAAATTCAGGAAAGATATCA TAAAATTTATGAAGAG
TTATACACAACAAAAAGAAATTTTTGAATTTTCATGAAATCCTTCGTAATTGCTTACATT
CCTTCCTAAATTTTGTAATAATCCTTCCTGGATTTTCTTTTGCGAGAAAATAGGGGCATA
TATTTTTTACGGGAAATTTTTTGACGAAACTTATTTTGGCGGAAAAAATTGTCAGGAA
TTTTTGGTAATGAATATGTGTATTTTTTTAATTGTTAATTTTAATAATAAAATAAAATA
GTTATCTGAATGTTATTTATGTCAAAAAAATATGAATGCTATTTTTGTCTTAAAAAC
TTAAAATTGTACTATTTGAAGGAATTTCAATTTTATTTTATTAATGTGATTAGATTTATA
ATTAAATATAATTAAATGATTGTAAATACTAACTTAAATCCTTATTTATAAACATAAAG
TAATATTTAATTTTCTTTAATTAATAATACATATTTTATTTTCATAATTTATTTTGCTT
TTTTTTTTTTTTTAGTTTTGATTTATTTTTTAAACATATAATATGAGTATATGACTATATG
ACATAGCATATTGGTTTATTTTGATTAGATAGAAAAAGAGACGGGTGAATAAAAGGGTT
TAATACTATGGTGAACCCAAGTATATATCGTCCATAACAAAAACACTATATAATTGAGG
TTTGTAGATTGTGCAACACGTGTGGGCATATCAGCTTGTAGGATTGCCACATACATTA
TCATGAGAAGCTTCCACCAGAATAAAGCAAAACAAAAAACTCCGAAAGCGGAGAGAACA
AGGAAAACCTGAAAAACCATTGTGAAGTATAGTCCTTGATGC

ATGGATTCAATCAACAAGATCATCAACTTCTTGTTTCCTCTCT

(SEQ ID NO: 30)

Query: 1 TGAAATCTTTCCTGAATTTTCGTAAAAATCCTTTCTAAATTTTAGAAAATTATTATTTGAAT 60

||| ||||| ||||| || || || || ||||| ||||| ||| |||

Sbjct: 109 TGATATCTTTCCTGAATTTTATAGATTCTTCCGAAATTTTCGTAAAAATCATTCAAATAAT 50

Query: 61 GATTTTACGAAATTTTCGGAAAGAATCTATAAAATTCAGGAAAGATATCA 109

||||| ||||| || || || || ||||| ||||| ||||| |||

Sbjct: 49 AATTTTCTAAAATTTAGAAAGGATTTTACGAAATTCAGGAAAGATTTC 1

BEST AVAILABLE COPY